

- Fiche méthodologique-

Séquences de cultures

Les indicateurs mobilisés dans le cadre du dossier « Séquences de cultures » sont calculés à l'échelle de la parcelle. Chaque parcelle est caractérisée par une séquence de cultures, composée de la succession des cultures sur la parcelle au cours des 4 années 2006 à 2009. Pour aller plus loin sur la notion de séquence de cultures, voir l'étude ontologique présentée dans le document disponible [ici](#).

Le RPG est une base de données géolocalisée à l'échelle de l'îlot. L'unité spatiale de la parcelle ne peut être définie directement, puisque non renseignée, mais approchée par le couple « culture-îlot ». Cette limite a donc nécessité la mise en place d'un traitement des données RPG, réalisée par l'équipe MAGE de l'UMR AGIR (INRA Toulouse), de reconstitution des séquences de cultures.

La méthode de reconstitution dans son état actuel permet de recouper 98% des îlots entre les différentes années. En revanche la reconstitution des surfaces et donc des séquences de cultures ne peut être considéré comme totale. C'est pourquoi les résultats présentés dans le dossier « séquences de cultures » sont calculés sur la base des *surfaces reconstituées* et non sur la SAU renseignée directement dans le RPG.

Les indicateurs sont mobilisés pour les différentes tables RPG disponibles (V0 et V1), pour une description détaillée des versions RPG voir [ici](#) la note technique. Pour une description détaillée des classes de cultures prises en compte dans les versions VO et V1 voir [ici](#).

Description des indicateurs mobilisés :

« Nombre de cultures différentes sur la séquence »

La séquence de culture étant définie sur 4 ans (2006 à 2009) le nombre de cultures différentes est compris entre 1 et 4. Il s'agit d'un indicateur de diversité absolue pouvant regrouper des situations différentes. A titre d'exemple on peut noter que les séquences de cultures ne possédant qu'une seule 'culture différente' regroupe des séquences en situation de monoculture de céréales et des séquences dites de 'surfaces toujours enherbées'. Pour aller plus loin dans l'analyse de cet indicateur voir la méthode de caractérisation des séquences de cultures décrite dans le document [suivant](#).

nb_seq_1_cult_diff : Nombre de parcelles ne possédant qu'une culture différente sur leur séquence, sur une étendue géographique sélectionnée.

surf_seq_1_cult_diff : Surfaces reconstituées cumulées des parcelles possédant une seule culture différente sur leur séquence, sur une étendue géographique sélectionnée.

« Surfaces toujours enherbées (STH) »

Il s'agit des séquences entièrement consacrées à des prairies temporaires, permanentes, ou estives landes, sur une durée de 4 ans.

nb_seq_sth : Nombre de parcelles en STH sur une étendue géographique sélectionnée.

Surf_sth : Surfaces reconstituées cumulées des parcelles en STH sur une étendue géographique sélectionnée.

« **Monoculture** »

Parcelles couvertes par des cultures appartenant à la SCOP en situation de monoculture (1 seule culture présente sur une durée de 4 ans).

nb_seq_monoculture : Nombre de parcelles en situation monoculture sur une étendue géographique sélectionnée.

Surf_monoculture : Surfaces reconstituées cumulées des parcelles en situation de monoculture sur une étendue géographique sélectionnée.

Cas spécifique : parcelles en situation de **monoculture de maïs** (grains et ensilage) au cours des 4 années 2006 à 2009. D'autres cas spécifiques peuvent être envisagés.

dont_nb_monoculture_maïs : Nombre de parcelles en situation monoculture de maïs (grains et ensilage) sur une étendue géographique sélectionnée.

dont_surf_monoculture_maïs : Surfaces reconstituées cumulées des parcelles en situation de monoculture de maïs (grains et ensilage) sur une étendue géographique sélectionnée.

« **Gel fixe** »

Parcelles en gel fixe. (1 seule culture présente sur une durée de 4 ans).

nb_seq_gel_fixe : Nombre de parcelles en gel fixe sur une étendue géographique sélectionnée.

Surf_gel_fixe : Surfaces reconstituées cumulées des parcelles en gel fixe sur une étendue géographique sélectionnée.

« **Quasi monoculture** »

Parcelles couvertes par des cultures appartenant à la SCOP en situation de quasi-monoculture (2 cultures présentes sur une durée de 4 ans dont une trois années consécutives).

nb_seq_quasi_monoculture : Nombre de parcelles en situation de quasi-monoculture sur une étendue géographique sélectionnée.

surf_seq_quasi_monoculture : Surfaces reconstituées cumulées des parcelles en situation de quasi-monoculture sur une étendue géographique sélectionnée.

« **Rotations courtes** »

Parcelles couvertes par des cultures appartenant à la SCOP en situation de rotation courte (2 cultures présentes en alternance sur une durée de 4 ans, ex blé tendre-colza-blé tendre-colza).

nb_rotation_courte : Nombre de parcelles en rotation courte sur une étendue géographique sélectionnée.

surf_rotation_courte : Surfaces reconstituées cumulées des parcelles en rotation courte sur une étendue géographique sélectionnée.

« Blé tendre – orge – colza »

Parcelles couvertes par la rotation blé tendre-orge-colza.

nb_rota_blet_orge_colza : Nombre de parcelles couvertes par la rotation blé tendre-orge-colza, sur une étendue géographique sélectionnée.

surf_rota_blet_orge_colza : Surfaces reconstituées cumulées des parcelles couvertes par la rotation blé tendre-orge-colza, sur une étendue géographique sélectionnée.

« **Présence de protéagineux** »

Parcelle dont la séquence de cultures présente au moins une année de protéagineux.

nb_seq_avec_proteagineux : Nombre de parcelles couvertes par une séquence présentant au moins une année en protéagineux, sur une étendue géographique sélectionnée.

surf_seq_avec_proteagineux : Surfaces reconstituées cumulées des parcelles par une séquence présentant au moins une année en protéagineux, sur une étendue géographique sélectionnée.